

NBDC ヒトデータベース群運用状況

令和元年 7 月 22 日

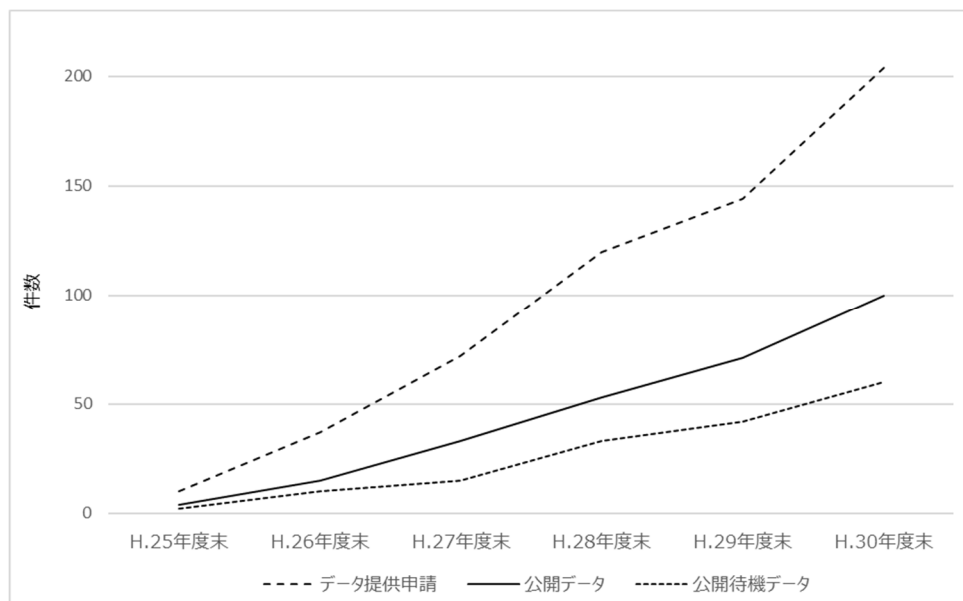
国立研究開発法人科学技術振興機構
バイオサイエンスデータベースセンター

NBDC ヒトデータベース群へのデータ提供申請数は、国内研究プロジェクトの研究費助成機関におけるデータ共有ポリシーや研究成果を発表する際に投稿する出版社からの要請などの影響を受け、順調に増加している。データ利用申請については海外からの申請の割合が増加傾向にある。令和元年 6 月末現在の各種申請について報告する。

1. データ共有状況

○ NBDC ヒトデータベース

★データ提供申請：217 件（273,605 individuals）



	H.25年度末	H.26年度末	H.27年度末	H.28年度末	H.29年度末	H.30年度末	R.1年6月末
データ提供申請	10	37	72	120	144	204	217
公開データ	4	15	33	53	71	100	111
公開待機データ	2	10	15	33	42	60	62

公開	111件	(非制限公開データ 22件、制限公開データ [Type I] 89件)
公開待機	62件	(非制限公開データ 5件、制限公開データ [Type I] 57件)
データ登録作業中	29件	(非制限公開データ 4件、制限公開データ [Type I] 25件)
審査中	0件	(非制限公開データ 0件、制限公開データ [Type I] 0件)
提供申請内容確認中	15件	(非制限公開データ 0件、制限公開データ [Type I] 15件)

★提供データ更新の申請：92件

(同意撤回検体のデータを削除したセットの再登録や、同じ IC 説明文書・研究計画書・承認書により説明できるデータの追加登録のための申請)

★データ利用申請数（制限公開データ）：110件

申請作業中 12件 (国内：5件、国外：7件)
 データ利用中 65件 (国内：38件、国外：27件)
 二次データ利用中 3件 (国内：2件、国外：1件)

★非制限公開データ 27 件のアクセス数およびダウンロード数

ID	研究題目	公開開始	総アクセス	総 DL
hum0003	関節リウマチ患者及び健常人における HLA 領域の塩基配列比較解析	2013/7/1	1,950	3,374
hum0005	難聴の遺伝子解析と臨床応用に関する研究	2014/1/27	1,822	1,305
hum0009	ヒト初期発生にかかわる細胞の DNA メチル化解析基盤研究	2014/1/7	1,785	1,435
hum0013	日本 PGx データサイエンスコンソーシアム PGx 研究のための日本人健常者 2994 名の SNP 遺伝子型データ	2014/10/16	2,536	777
hum0014	オーダーメイド医療の実現プログラム：Bio Bank Japan	2014/9/30	11,816	10,789
hum0015	ヒト全ゲノム解析に基づく高精度の住民ゲノム参照パネルの作成：ToMMo	2014/10/14	5,614	7,340
hum0016	精巣に発現するタンパク質群のヒト精子細胞における発現及び染色体局在解析	2016/9/30	419	1,451
hum0029	Stevens-Johnson 症候群に対する遺伝子多型解析	2016/3/9	881	236
hum0031	磁気共鳴画像装置で得られた脳画像の臨床評価尺度データベース構築と多施設による共同運用	2015/11/20	3,089	664
hum0033	ヒト唾液由来エキソソームの機能解析に関する研究	2015/4/28	785	1,344
hum0036	エクソームキャプチャプラットフォーム間の性能比較	2015/8/1	890	3,863
hum0043	アルツハイマー病総合診断体系実用化プロジェクト (J-ADNI 全国臨床研究)	2016/1/29	13,384	7,001
hum0044	ヒトレトロウイルス感染症に関する研究	2016/10/31	322	1,324
hum0048	次世代シーケンサーを用いた十二指腸・ファーター乳頭部腫瘍の全遺伝子のエクソン解析	2016/2/5	594	1,440
hum0056	ヒト全ゲノム解析に基づく高精度の住民ゲノム参照パネルと 3 層オミックスパネルの作成	2018/03/30	410	172
hum0072	ナルコレプシーおよび各種睡眠障害の感受性遺伝子の同定と機能解析	2017/12/26	396	173
hum0074	テーラーメイド医療を目指した肝炎ウイルスデータベ	2018/02/27	407	317

	ス構築に関する研究			
hum0075	B型肝炎ウイルス感染の病態別における宿主遺伝因子の探索研究	2017/09/25	380	443
hum0076	日本人原発性胆汁性肝硬変の発症・進展に関わる遺伝因子の網羅的遺伝子解析	2016/10/5	607	348
hum0082	日本人健常者におけるゲノム全域の SNP 解析	2017/09/26	616	353
hum0099	ヒト免疫細胞における遺伝子多型と遺伝子発現の関連解析	2017/4/24	1,847	305
hum0114	日本人由来 B 細胞株 DNA のゲノムデータを用いた遺伝統計解析手法の研究	2017/12/18	595	30
hum0126	小児ネフローゼ症候群の疾患感受性遺伝子及び薬剤感受性遺伝子同定研究	2018/04/27	419	143
hum0136	B型肝炎に関する統合的臨床ゲノムデータベースの構築を目指す研究	2018/05/22	462	131
hum0146	先天性インプリント異常症の診断と生殖医療の安全性評価	2019/02/19	91	35
hum0163	精神・神経疾患治療薬及びがん治療薬におけるファーマコゲノミクス研究	2018/12/14	231	63
hum0182	全ゲノムシーケンスデータの解析による変異と遺伝的多様性の包括的解析	2019/06/20	52	6

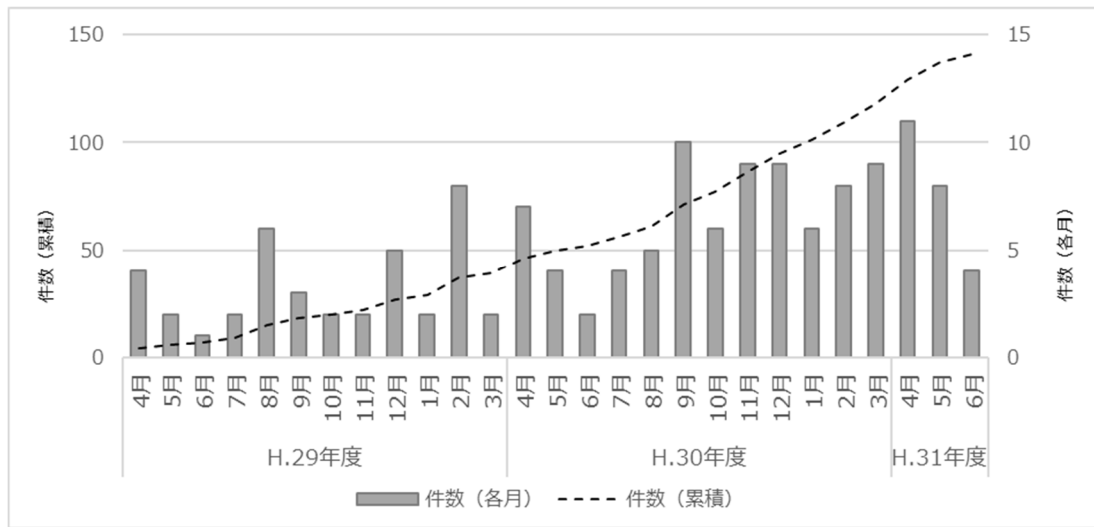
★GA4GH Beacon 検索回数 (2013/04-2019/06) : 37,060
(Beacon Network と NBDC ヒト DB 合計)

○ NBDC グループ共有データベース

□AMED ゲノム制限共有データベース (AGD) データ提供申請 10 件 (20,510 individuals)

制限共有[Type I]	3 件	(非制限公開データ 0 件、制限公開データ [Type I] 3 件)
データ登録作業中	4 件	(非制限公開データ 0 件、制限公開データ [Type I] 4 件)
審査中	0 件	(非制限公開データ 0 件、制限公開データ [Type I] 0 件)
提供申請内容確認中	2 件	(非制限公開データ 0 件、制限公開データ [Type I] 2 件)
保留中	1 件	(非制限公開データ 0 件、制限公開データ [Type I] 1 件)

2. 審査件数について



	H.29 年度												H.30 年度												H.31 年度					
月	4	5	6	7	8	9	10	11	12	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	1	2	3	4	5	6			
各月	4	2	1	2	6	3	2	2	5	2	8	2	7	4	2	4	5	10	6	9	9	6	8	9	11	8	4			
累積	4	6	7	9	15	18	20	22	27	29	37	39	46	50	52	56	61	71	77	86	95	101	109	118	129	137	141			

3. 申請から審査結果報告までの期間について

審査開始日（ワークフロー開始日）から申請者への結果報告日までの日数： 13.8 日
 （2019年3月6日～6月末の平均）

以上